

Bioinformatiker/ Omics Engineer (m/w/d)

Die Humangenetik (Limbach Genetics) ist ein zentrales strategisches Wachstumsfeld der Limbach Gruppe.

Unter der Leitung von Herrn Professor Dr. med. Carsten Bergmann agiert Limbach Genetics standort-übergreifend als Zusammenschluss mehrerer hochqualifizierter genetischer Praxen und Laboratorien. In einer Kombination aus medizinischen Werten, Qualität und Wissenschaft ist es unser gemeinsames Ziel, das Feld der Humangenetik weiter dynamisch voranzutreiben. Teamplay und ein fairer, offener Umgang miteinander sind für uns zentrale Elemente.

Wir verfügen über große Erfahrung in allen Teilbereichen der genetischen Diagnostik und gehören zu den führenden genetischen Anbietern. Neben der tagtäglichen Routine beteiligen wir uns intensiv an wissenschaftlichen Studien und etablieren frühzeitig neue, anspruchsvolle Verfahren wie aktuell etwa WGS, RNA Seq oder Liquid Biopsy. Wir sind davon überzeugt, dass nur mit inhaltlicher Tiefe der Prozesse und einer von Neugier und Empathie geprägten medizinisch-wissenschaftlichen Grundhaltung das spannende und herausfordernde Feld der Humangenetik weiterzuentwickeln ist und eine qualitativ hochwertige genetische Diagnostik und Beratung nachhaltig angeboten werden kann.

Ihre Aufgaben

- Aufbau und Betrieb von Systemen für die Speicherung und den Transfer großer NGS- Datenmengen sowie biomedizinischer Phänotypdaten, auch über Standortgrenzen hinweg
- Aufbau, Wartung und Betrieb von Workflows für die Analyse von NGS-Daten mit dem Schwerpunkt genomischer Varianten
- Optimierung von programmatischen Arbeitsabläufen hinsichtlich Monitoring und Robustheit der eingesetzten Workflows

Ihr Profil

- Erfolgreicher Hochschulabschluss (Bachelor, Master, oder vergleichbar) in einem Fach wie Bioinformatik/ Informatik oder vergleichbare Qualifikation
- Sie arbeiten sehr strukturiert und haben Erfahrung mit der Dokumentation Ihrer Arbeit
- Erfahrung mit bioinformatischen Fragestellungen für die Auswertung humangenetischer Daten ist ein starkes Plus
- Sie haben sehr gute Programmierkenntnisse in Python und Erfahrung mit Git. Erfahrungen in TypeScript/R/SQL/Bash/etc. sind ein starkes Plus
- Erfahrung mit Workflow Management Systemen wie Snakemake ist ein starkes Plus
- Erfahrung mit "shared code ownership" und Code Reviews ist ein Plus
- Kenntnisse in der Verwendung von Konfigurationsmanagementsystemen wie Ansible und im Einsatz von Container-basierten Methoden wie Docker sind ein Plus
- Erfahrung in einem regulierten Bereich mit Qualitätsmanagementsystemen und relevanten DIN/ISO Normen ist ein Plus
- Erfahrung bei der Entwicklung moderner Web-Anwendungen ist ein Plus

Ihre Chance

- Große Flexibilität und Freiheit, eigene Ideen umzusetzen und ein modernes Arbeitsumfeld mitzugestalten
- Möglichkeit des Aufbaus und der Mitgestaltung des eigenen Aufgabenbereichs zur effizienten Ausgestaltung der vielfältigen Aufgabenbereiche
- Ein sicherer Arbeitsplatz mit langfristiger Perspektive und Wachstumspotenzial
- Herausfordernde und verantwortungsvolle Aufgaben in einem sich rasant entwickelnden und innovativen Bereich der medizinischen Diagnostik mit großem nationalen und internationalen Netzwerk
- Ein motiviertes und lösungsorientiertes Team, in dem Sie sich gemeinsam mit dem Unternehmen weiterentwickeln und wachsen können
- Regelmäßige Fort- und Weiterbildungen
- Laborneubau mit modernster Geräteausstattung
- Ein modernes, zeitgemäßes Arbeitsmodell mit Flexibilität und Offenheit für Home-Office-Arbeitsweisen

Ihre Vorteile



Einstiegslevel:
Mitarbeiter

Standort:
Mainz

Tätigkeit:
nicht-medizinisch

Art:
Vollzeit

Unternehmensbereich:
Humangenetik

Kontaktperson:
**MVZ Medizinische Genetik Mainz
Haifa-Allee 38
55128 Mainz
Mail:
tobias.eisenberger@medgen-
mainz.de**

Zum Stellenmarkt:

